

HENNEGUYA SP. PARASITANDO DIVERSOS ÓRGANOS DE CHARACIDIUM RACHOVII (CHARACIFORMES: CRENUCHIIDAE)

Marcos Waldbillig², Martín Miguel Montes¹, Jorge Barneche¹, Paula Marcotegui¹, Walter Ferrari¹, Florencia Aranguren¹ y Sergio Martorelli¹

¹Centro de Estudios Parasitológicos y Vectores (CEPAVE), Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas, Universidad Nacional de La Plata (CCT, CONICET-UNLP), Boulevard 120 s/n e/ 60 y 64

²Instituto de Limnología "Dr. Raúl A. Ringuelet", CONICET, Boulevard 120 y 62, La Plata, Argentina

INTRODUCCION

Los Myxozoa son un grupo diverso de metazoos parásitos caracterizados por

poseer esporas multicelulares con cápsulas polares que presentan un filamen-

to polar extrusible. La clasificación de estos parásitos ha sido muy discutida y los

datos moleculares los relacionan estrechamente con los Cnidarios.

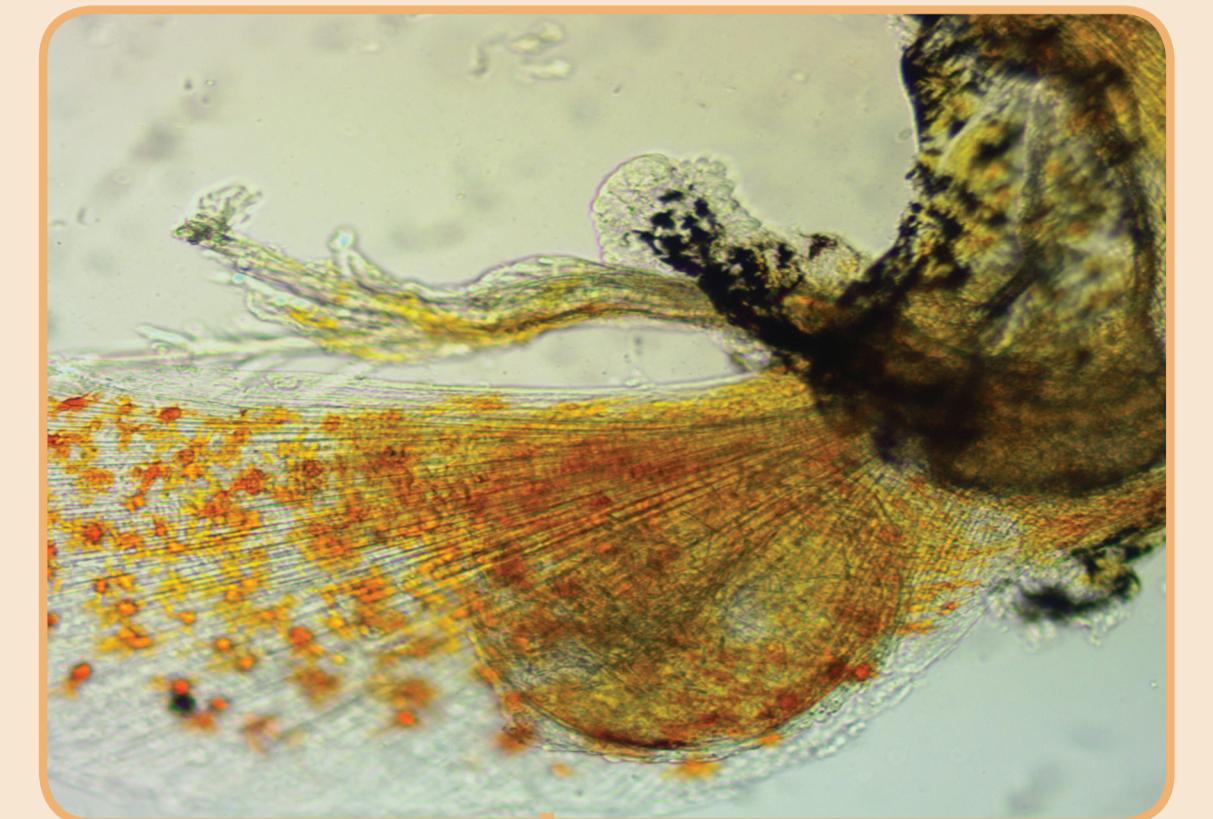


Fig. 1- Aleta adiposa de *C. rachovii* y mixosporidios de Hígado/mesenterios



Fig.3- Sitio de colecta de *Characidium rachovii*

MATERIALES Y METODOS

Como parte de los trabajos llevados a cabo en el Laboratorio de Helmintos se registraron varios quistes de mixosporidios en aleta adiposa, hígado y mesenterios (Fig. 1) de *Characidium rachovii* (Fig. 2) de Concordia (Entre Ríos, Fig. 3). Se guardó tejido en alcohol 96%, se realizó la extrac-

ción de ADN y se secuenció el gen 18S. Se conservó tejido en glutaraldehído al 5% para realizar estudios al microscopio electrónico de transmisión. Las secuencias se editaron "a ojo" con el programa Geneious, se alinearon, se eliminaron las regiones pobremente alineadas y se

eligió el mejor modelo de sustitución con el BIC mediante el programa PartitionFinder (GTR+I+G). Se calculó la distancia génica (p -distance) en el programa MEGA y la reconstrucción filogenética se realizó usando Inferencia Bayesiana mediante el programa Mr.Bayes.



Fig. 2- *Characidium rachovii*, hospedador de mixosporidios en Aleta adiposa, hígado y mesenterios.

RESULTADOS

En el filograma (Fig. 4) construido a partir de las secuencias de mixosporidios extraídas del GenBank se puede observar que forman

un clado junto con especies sudamericanas de las familias Bryconidae, Characidae y Serrasalminidae. Los *Henneguya* sp. del mesen-

terio e hígado de *C. rachovii* presentan una distancia génica del 0%, y 1-2% con respecto a *Henneguya* de la aleta adiposa

CONCLUSIONES

Si bien pareciera que los mixosporidios de hígado y mesenterios serían la misma especie y a su vez diferente de la registrada en la aleta adiposa, son los datos morfológicos los que confirmarán si las diferencias moleculares corresponden a diferentes especies.

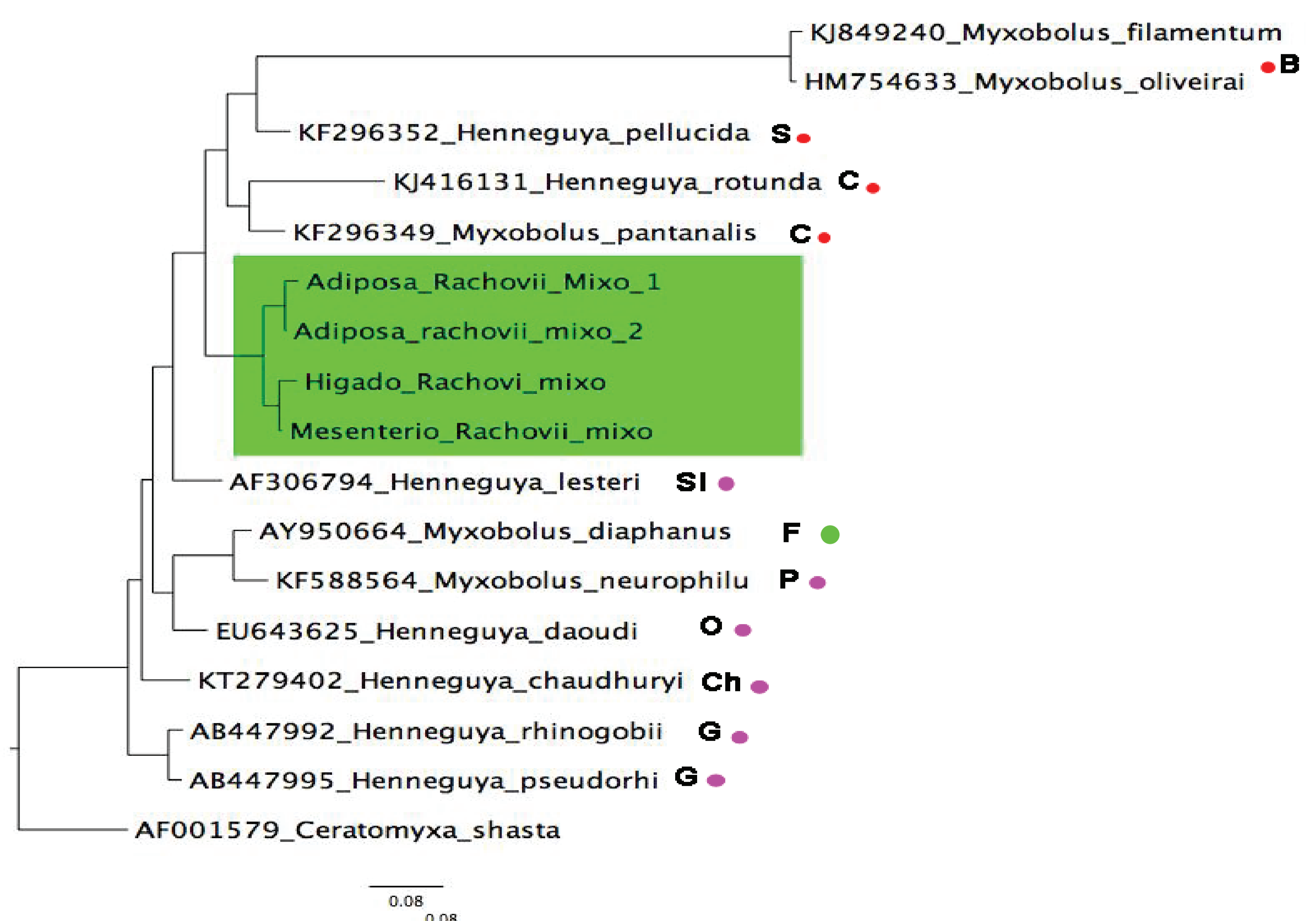


Fig. 4- Filograma mostrando las relaciones de los mixosporidios de *C. rachovii*. Rojo = Characiformes, Rosa = Perciformes, B = Bryconidae, Ch = Channidae, C = Characidae, G = Gobiidae, S = Serrasalminidae, Si = Sillaginidae, F = Fundulidae, O = Osphronemidae, P = Percidae.